# 草菇基因枪法遗传转化体系的建立

郭丽琼<sup>1,2</sup> 杨飞芸<sup>1</sup> 熊 盛<sup>2</sup> 林俊芳<sup>1,2\*</sup>

 $(^{1}$ 华南农业大学食品学院生物工程系,广州 510640;  $^{2}$ 中国热带农业科学院热带作物生物技术国家重点实验室,海口 571101)

摘 要: 草菇菌株 V1308对潮霉素、卡那霉素、遗传霉素、膦丝菌素的抗性测验结果表明,该菌株对潮霉素敏感,而对其它三者不敏感。进一步测定结果显示,潮霉素的最低筛选浓度在 PDSA 固体培养基上为 75  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup>,在 PDSB 液体培养基中为 50  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup>。以含有 35S启动子、gus报告基因、潮霉素抗性基因的质粒 pCAMB R1301为表达载体,采用基因枪法对草菇菌丝体进行遗传转化。结果表明,基因枪的最佳轰击参数为:氦气压力 1 100 Psi,真空压力 87.88 kPa,靶距离 6 cm,轰击次数 1次。Southem杂交结果显示,gus基因已整合进 V1308基因组中。 GUS组织化学检测结果证明,gus基因在 V1308菌丝体中获得了表达。草菇出菇试验结果显示,转基因草菇和对照都能正常形成子实体,子实体组织分离长出的菌丝体经GUS组织化学检测,证明了外源基因 gus能够在转基因草菇的菌丝体中稳定表达。

关键词:草菇;基因枪;遗传转化; gus基因

中图分类号: S 646.1 \* 3 文献标识码: A 文章编号: 0513-353X (2005) 05-0828-06

# The Transformation System for Volvariella volvacea by Particle Bombardment

Guo Liqiong<sup>1,2</sup>, Yang Feiyun<sup>1</sup>, Xiong Sheng<sup>2</sup>, and Lin Junfang<sup>1,2\*</sup>

(1Department of B ioengineering, College of Food Sciences, South China Agricultural University, Guangzhou 510640, China; 2State Key Laboratory of Tropical Crop B iotechnology, Chinese Academy of Tropical Agricultural Sciences, Haikou 571101, China)

Abstract: The resistant test of *Volva riella volvacea* strain V1308 to hygromycin, kanamycin, G418 and PPT showed that the strain was sensitive to the former but resistant to the latter 3 reagents. The lowest selection concentrations of hygromycin for V1308 were 75  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup> on PDSA solid medium and 50  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup> in PDSB liquid medium. The expression vector pCAMB A1301, carrying 35S promoter, hygromycin selectable gene and *gus* report gene, was transferred into intact mycelia of V1308 by particle bombardment. The most effective bombardment parameters were 1 100 Psi of helium pressure, 87.88 kPa of vacuum pressure and 6 cm of target-shelf distance. The result of southern blotting indicated that the *gus* gene was integrated into the V1308 genome. GUS histochemical assay confirmed that *gus* had expressed in V1308 mycelia. Cultivation of V1308 showed that both the transformant and the control were able to form normal fruit-bodies. GUS histochemical assay indicated that the exogenous *gus* gene expressed stably in the mycelia derived from the fruit-bodies of transformant.

Key words: Volvariella volvacea; Particle bombardment; Genetic transformation; gus gene

食用菌遗传转化的研究虽然起步较晚,但发展迅速。自 1991年 Challen M P等最早报道了利用 PEG法把外源 DNA 导入双孢蘑菇受体菌的原生质体内获得转化子以来,相继报道了杨树菇 (Agnocybe aegerita)、双孢蘑菇 (Agaricus bisponus)、平菇 (Pleurotus ostreatus)、香菇 (Lentinus edodes)、灰盖鬼伞 (Coprinus cinereus)、灵芝 (Ganoderna Lucium) 等的遗传转化研究结果 [1~3]。在草菇的遗传转化研究上只有 1998年 Jia等报道了以 tp3 iar为抗性筛选标记基因,以 PEG法建立了草菇遗传转化体

收稿日期: 2005 - 01 - 28; 修回日期: 2005 - 06 - 20

基金项目: 国家自然科学基金资助项目 (39960050、30060054和 30371000); 广东省自然科学基金资助项目 (032239)

\*通讯作者 Author for correspondence (E-mail: linjf@ scau. edu. cn)

系 $^{[4]}$ 。本文报道以35S为启动子,潮霉素抗性基因 $^{(hpt)}$ 为筛选标记基因, $^{gus}$ 为报告基因,采用基 因枪法把外源。يょ。基因转化进草菇的菌丝体中,建立了草菇基因枪法遗传转化体系。

# 1 材料与方法

# 1.1 供试菌株、质粒和试剂

草菇菌株 V1308由福建农业大学谢宝贵博士赠送,保存在 PDSA 培养基斜面上:质粒受体菌 DH5 由本实验室保存,表达载体 pCAMB IA 1301来自澳大利亚国际农业分子生物学应用中心。该质 粒含有 CaMV 35S 启动子、潮霉素抗性基因 (hpt) 和 gus报告基因。卡那霉素 (Kam)、遗传霉素 (G418)、潮霉素 (Hyg)、膦丝菌素 (PPT)、X-gluc、PNPG购自北京经科公司; 牛血清白蛋白 (BSA) 购自 Promega公司; 考马斯亮蓝购自 Sigma公司; 基因枪 Kit购自 Bio-Rad公司; Prime-It II Random Primer Labeling Kit购自美国 Stratagene公司。其他化学试剂均为分析纯。

## 1.2 抗性标记试剂的筛选

按常规方法配制 PDSA培养基并制成含有卡那霉素等 4种试剂各 5种浓度 (表 1)的平板。每个 浓度处理 3次重复。之后在超净台上每个平板接入 1块黄豆大小的菌种,以不含抗性试剂的 PDSA 平 板为对照。接种后置于 28 的恒温培养箱中培养,每隔 12 h观察 1次,记录菌丝的生长情况及生长 速度。

### 1.3 草菇菌株 V1308对潮霉素的敏感性测验

配制含有 0、45、55、65、75、85 μg·mL '潮霉素的 PDSA, 平板接种草菇菌种,并置于 28 的 恒温培养箱中培养,观察菌丝的生长情况。配制含有 0、40、45、50、55、60 µg·mL 湖霉素的 PDSB液体培养基 30 mL于 100 mL的三角瓶中,接入黄豆大小的菌种 5块,置于 28 的摇床上培养, 摇床转速为 150 r·min<sup>-1</sup>, 每天观察并记录。

#### 1.4 基因枪转化

质粒 pCAMB IA 1301转化感受态细胞 DH5 以及质粒的提取与纯化根据文献 〔5〕的方法进行。 微弹 (金粉)的制备按基因枪 Kit说明书进行,以不包裹 DNA的微弹为对照。

草菇外植体的准备:按常规方法制备 PDSA 平板并接种,置于 28 恒温箱里培养 1周。选生长均 匀一致的菌丝切割成约 0.5 cm的方块,平铺于注有薄层 PDSA 培养基的培养皿中,铺成面积直径约 6 cm大小的圆圈 (约有 113块外植体)。基因枪轰击参数的设定: 氦气压力 1 100 Psi; 真空压 87.88 kPa; 设不同靶距离和轰击次数, 共计 4个处理 (表 2), 每个处理设 2次重复。

#### 1.5 转化子的筛选、鉴定及遗传稳定性分析

将轰击后的草菇外植体置于 28 培养箱中培养 2 d后转入含 60 µg · mL <sup>1</sup>潮霉素的 PDSA 筛选培 养基上,在 28 下进行初步筛选。一周后,切取新生长的菌丝 (约  $1 \text{ cm}^2$  大小 ),转入含  $75 \text{ g} \cdot \text{mL}^{-1}$ 潮霉素的 PDSA 筛选培养基中继续筛选。一周后选取可生长的菌丝,切割成 0.8 mm厚的薄片转入含 50 μg·mL <sup>1</sup>潮霉素的 PDSB液体培养基中,于 28 振荡培养,转速为 150 r·m in <sup>1</sup>。能在液体选择 培养基上生长的菌丝块即认为是假定转化子,继代培养均采用液体选择培养基。

QUS组织化学分析: 切取少许假定转化子和非转化子草菇菌丝体于 1.5 mL的离心管中, 每管加 入 200 µL的固定液 (1% 甲醛, 50 mmol·L d磷酸钠缓冲液, pH 7.0, 0.05% Triton X-100), 于 200 r ·min 指动固定;30 min后移去固定液;用50 mmol·L 磷酸钠缓冲液洗涤3次,每次于200 r· min <sup>1</sup>摇动 10 min, 用移液器移去用过的缓冲液; 每管加入 200 µL新鲜配制的 X-gluc溶液 (50 mmol ·L 「磷酸钠缓冲液,1 mmol·L 「X-gluc, 0.1% Triton X-100, 4 mmol·L 」亚铁氰化钾,100 μg· mL 氢霉素):每个样品分3管处理,分别置于28、32 和37 的温度条件下温育:每隔48 h制 作载玻片,在倒置显微镜 (Olympus MT-2) 下观察并拍照。

Southern B lotting检测:选择 GUS染色较明显的 8个草菇转化子进行 Southern B lotting分子杂交检

测。草菇转化子和对照菌丝的收集和草菇基因组 DNA的提取按文献 〔6,7〕的方法进行。

gus基因片段的制备:先以限制性内切酶 Bst E 酶解质粒 pCAMB A 1301,反应条件根据 Bst E 酶的说明书进行。酶解 2 h后加入 1/10体积的 3 mol·L<sup>-1</sup> NaAc(pH 5.2),2倍体积的无水乙醇,静置数分钟,离心回收已酶解的质粒;加入 25.5  $\mu$ L 无菌 ddH<sub>2</sub>O,溶解沉淀。依次加入 Buffer D 3.0  $\mu$ L,Bgl (10 U· $\mu$ L<sup>-1</sup>) 1.5  $\mu$ L,混匀后置于 37 恒温下酶解 2 h;以 1%琼脂糖凝胶电泳,分离酶解产物;用凝胶 DNA 提取 Kit回收 gus基因片段。

以限制性内切酶 Hind III酶解假定草菇转化子和非转化子的总 DNA(15  $\mu$ g),以限制性内切酶 Sph 酶解质粒 pCAMB R1301(60 pg)作为阳性对照。配制 0.8%的 Agrose胶,酶解产物全部点样,并以 20 V的电压电泳过夜。DNA 从凝胶中转移至尼龙膜的步骤根据文献 〔5〕的方法进行。 gus基因片段探针的标记、膜的预杂交、杂交、洗膜、放射自显影等方法和步骤均根据 Prime-It II Random Primer Labeling Kit说明书进行。

草菇转化子的遗传稳定性分析:按文献 [8, 9]的方法进行草菇菌种的制作及框式栽培,待产生子实体后取未开伞的子实体进行组织分离,对获得的菌丝体进行 GUS组织化学检测。

# 2 结果与分析

## 2.1 抗性标记试剂

抗性标记试剂的筛选结果见表 1。卡那霉素、遗传霉素、膦丝菌素的各处理浓度对 V1308的菌丝生长几乎没有影响,生长速度接近对照;潮霉素对草菇 V1308的生长速度影响很大,在 50  $\mu$ g· mL 时菌丝的生长极慢,  $100 \sim 200~\mu$ g· mL 时即停止生长,故选择潮霉素作为草菇的抗性筛选试剂。

表 1 草菇菌株 V1308在不同试剂浓度平板上的日平均生长速度

		- 5/ \					
卡那霉素 Kanan	nycin	潮霉素 Hygromy	yein	遗传霉素 Gen	e tic in	膦丝菌素 Phosp	hinothricin
浓度	生长速度	浓度	生长速度	浓度	生长速度	浓度	生长速度
Concentration	Growth rate	Concentration	Growth rate	Concentration	Growth rate	Concentration	Growth rate
$(\mu g \cdot mL^{-1})$	$(cm \cdot d^{-1})$	(µg⋅mL <sup>-1</sup> )	$(cm \cdot d^{-1})$	$(\mu g \cdot mL^{-1})$	$(\mathbf{cm} \cdot \mathbf{d}^{-1})$	$(\mu_g \cdot mL^{-1})$	$(\mathbf{cm} \cdot \mathbf{d}^{-1})$
100	0.70	25	0.06	10	1.32	0. 5	0.80
200	0.65	50	0.01	20	1.17	1.0	0.75
300	1.00	100	0	30	1.02	1.5	0.58
400	0.95	150	0	40	0.75	2.0	1.05
500	0.85	200	0	50	0.80	2. 5	0.70
対照 Control	0. 95	对照 Control	0.90	对照 Control	1.42	对照 Control	1.08

Table 1 The average growth rate of V1308 on the plates with different concentration of reagents

#### 2.2 草菇菌株 V1308对潮霉素的敏感性

V1308在含 75  $\mu$  g·mL <sup>1</sup>潮霉素的 PDSA 平板上菌丝停止生长 (图版, 1),在含 50  $\mu$  g·mL <sup>1</sup>潮霉素的 PDSB 液体培养基中菌丝停止生长。故确定 V1308在 PDSA 平板上和在 PDSB 液体培养基中的最佳筛选浓度分别为 75  $\mu$  g·mL <sup>1</sup>和 50  $\mu$  g·mL <sup>1</sup>。

### 2.3 不同轰击参数对草菇相对转化率的影响

经基因枪轰击转化的草菇菌丝体 T1、T2、T3 和 T4,在选择培养基上筛选后获得的假定转化子总数分别为 15、7、6和 14个,平均相对转化率 (转 化 子 数 外 植 体 总 数 )分别为 6.64%、3.01%、2.66%和 6.20% (表 2)。方差分析表明: 靶距离 6 cm的相对转化率极显著高于 9 cm 和 12 cm的处理;而靶距离 6 cm,轰击次数 1次与 2次之间差异不显著。由此可见,基因枪转化

表 2 不同处理的相对转化率

Table 2 The relative transformation efficiencies of different treatments

处理	Treatment	相对转化率 Relative	
代号	靶距离 Target- shelf distance(cm)	轰击次数 Bomb- ardment times	transformation efficiency(%)
T1	6	1	6. 64 aA
T4	6	2	6. 20 aA
T2	9	1	3.01 bB
T3	12	1	2.66 bB

的最佳参数为靶距离 6 cm、轰击次数 1次 (图版, 2), 其相对转化率最高, 为 6.64%。

#### 2.4 草菇菌株 V1308转化子的鉴定

2.4.1 GUS组织化学分析 草菇转化子的菌丝以 X-gluc为底物进行显色反应,在显微镜下可观测到明显的蓝斑或完全染成蓝色的菌丝段(图版,3),这说明了草菇转化子的菌丝里具有 GUS酶的活性,因为只有 GUS酶活性的存在才能将 X-gluc底物水解生成蓝色物质;而非转化子对照没有任何蓝斑出现(图版,4),这说明了草菇不含内源的 gus基因。只有外源的 gus基因整合进草菇的基因组中时,才能表达出 GUS酶的活性。这个结果表明了外源 gus基因已经整合进草菇菌丝的基因组中,并且得到了表达。另外,我们发现 X-gluc的显色反应无论是在 28 、32 还是在 37 都可以观测到清晰的蓝点或蓝色菌丝,然而,在 32 时 X-gluc的显色反应要比 28 、37 快,故认为草菇菌丝的 GUS染色反应在 32 的温度下效果最好。

2.4.2 Southem B lotting检测 草菇转化子和对照基因组 DNA的酶切结果和 Southem B lotting检测结果见图 1。结果表明: (1) 草菇基因组 DNA酶解充分,可以转膜; (2) 8个草菇转化子的样品中均产生了与 gus探针杂交的信号带 (1~8泳道),非转化子对照没有任何杂交信号 (10泳道),而阳性对照质粒 pCAMB IA1301产生了与 GUS探针杂交的信号带 (约 3.2 kb),说明这 8个受检样品中 gus基因确已整合到受试的基因组中; (3) 每个泳道都有 2~3条,最多 5条的杂交信号带,说明利用基因枪法进行草菇转化时,较少有单基因转化的情况,这和利用基因枪法进行其他植物转化的结果一致。

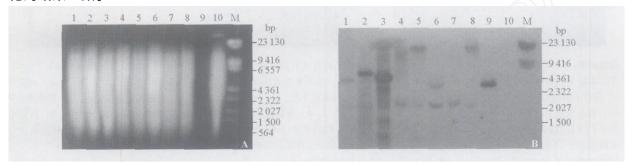


图 1 草菇 V1308基因组 DNA的 Hind III酶解结果 (A) 和 Southern blotting检测结果 (B)

M. DNA Marker, 1~8 分别为 Tl-1、Tl-6、Tl-10、Tl-11、T2-3、T3-5、T4-7、T4-9草菇转化子;

9. 质粒 pCAMB IA1301; 10. 非转化子对照。

Fig. 1 Digestion of genomic DNA of straw mushroom with Hind III (A) and southern blotting detection results (B)

M. DNA Marker, 1 - 8. Transformant T1-1, T1-6, T1-10, T1-11, T2-3, T3-5, T4-7, T4-9 respectively; 9. Plasmid
pCAMB A1301; 10. Non-transformant control

#### 2.5 草菇转化子的遗传稳定性

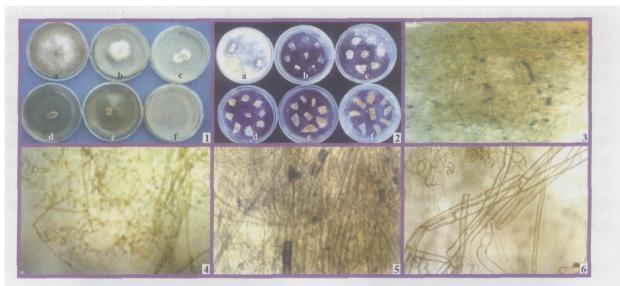
草菇转化子的出菇试验结果表明,转化子和对照一样能正常形成子实体。子实体经组织分离后获得的菌丝体经 GUS显色反应结果表明:转化子的菌丝体在显微镜下可以明显看到 GUS酶与底物 X-gluc水解生成的蓝色物质 (图版,5),而非转化子对照没有任何蓝斑出现 (图版,6)。这充分说明了外源 gus基因已经稳定地整合进了草菇的基因组中,且能在菌丝体中稳定表达。

## 3 讨论

利用基因枪介导法转化,外植体的选择和制备是关键性步骤之一。本研究中,曾以液体培养基培养的小菌球为外植体,没有筛选到转化子。这可能是由于小菌球的菌丝过于微细,致使基因枪轰击的 有效性差。

本研究所获得的草菇转化子 Southem杂交结果显示,8个转化子出现多种杂交带型,这说明 gus 基因以不同的拷贝数整合在草菇基因组的不同位点中。这一结果与目前绝大多数转基因植物和转基因

丝状真菌的结果<sup>[10~12]</sup>相一致。据报道,在植物转化过程中,无论是农杆菌介导还是基因枪转化,都会启动细胞的伤害反应,从而激发宿主中的特异性核酸酶和 DNA 修复酶等宿主基因组的监视系统,以维持基因组的完整性<sup>[13]</sup>。尤其是基因枪法,因为通过裸露 DNA 直接转化,外源 DNA 更易受到宿主监视系统的干扰,形成复杂的转基因重排,一般在基因组中会产生 1~20个转基因拷贝<sup>[13]</sup>。本研究的结果与这相类似,在 8个转基因材料中 gus基因的拷贝数均在 2个拷贝以上。



图版说明: 1. 草菇菌株 V1308对潮霉素的敏感性测定 (a~f培养基的潮霉素含量分别为 0、45、55、65、75、85 µg·mL<sup>-1</sup>)。 2 草菇菌株 V1308转化子在固体选择培养基上的筛选 (a 对照,培养基不含潮霉素;b~f 培养基潮霉素的含量均为 75 µg·mL<sup>-1</sup>;b 微弹不包裹 DNA的轰击对照;c T1,靶距离为 6 cm,轰击次数 1次;d T4,靶距离为 6 cm,轰击次数 2次;e T2,靶距离为 9 cm,轰击次数 1次;f T3,靶距离为 12 cm,轰击次数 1次)。 3,4 草菇菌丝 GUS活性的组织化学检测(32 下染色;3 假定转化子 T1-1菌丝的 GUS检测结果;4 非转化子对照菌丝的 GUS检测结果)。 5,6 草菇子实体组织分离长出菌丝的 GUS检测结果(5.草菇转化子 T1-1子实体组织分离长出的菌丝;6 非转化子对照子实体组织分离长出的菌丝)。

Explanation of plates: 1. The test of sensitivity of V1308 to the hygromycin (a - f The concentration of hygromycin was 0, 45, 55, 65, 75, 85  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup> respectively in the PDSA medium). 2. Screening of transformants of V1308 on the solid selective medium (a PDSA medium without hygromycin b - f Selective medium containing 75  $\mu$ g·mL<sup>-1</sup> hygromycin; b. Control, bombardment without DNA; c. Tl, 6 cm of target-shelf distance, bombardment twice; e. T2, 9 cm of target-shelf distance, bombardment once; f T3, 12 cm of target-shelf distance, bombardment once). 3 and 4. GUS histochemical assay of straw mushroom mycelia (dying under 32; 3. Transformant T1-1; 4. Non-transformant control). 5 and 6. GUS histochemical assay of straw mushroom mycelia derived from fruit-bodies (5. Transformant T1-1; 6. Non-transformant control).

#### 参考文献:

- 1 郭丽琼,陈守才,林俊芳. 食用菌遗传转化研究进展. 食用菌学报, 2001, 8 (4): 47~53

  Guo L Q, Chen S C, Lin J F. Research advance in genetic transformation of the edible fungi Acta Edulis Fungi, 2001, 8 (4): 47~53 (in Chinese)
- 2 Ogawa K, Yamazaki T, Hasebe T, Kajiware S, Watanabe A, Asada Y, Shishido K Molecular breeding of the basidiomycete Coprinus cinereus strains with high lignin-decolorization and -degradation activities using novel heterologous protein expression vectors. Applied Microbiology and Biotechnology, 1998, 49 (3): 285 ~ 289
- 3 Sun L, Cai H Q, Xu W H, Hu Y H, Gao Y, Lin Z P. Efficient transformation of the medicinal mushroom *Ganodem a lucidum*. Plant Molecular Biology Reporter, 2001, 19: 383
- 4 Jia J H, Buaswell J A, Peberdy J F. Transformation of the edible fungi, *Pleurotus ostreatus* and *Volvariella volvacea*. Mycological Research, 1998, 102 (7): 876 ~880
- 5 萨姆布鲁克 J, 弗里奇 E F, 曼尼阿蒂斯 T 分子克隆实验指南. 第 2版. 金冬雁,黎孟枫译. 北京: 科学出版社, 1992 49~56 Sambrook J, Fritsch E F, Maniatis T. Molecular cloning: a laboratory manual Translated by Jin D Y, Li M F. Beijing: Science Press, 1992 49~56 (in Chinese)
- 6 郭丽琼,林俊芳,杨丽卿,刘瑞瑞.单酶切 dDNA-AHLP改良法分离草菇冷诱导基因.菌物学报,2004,23 (2):241~247

- Guo L Q, Lin J F, Yang L Q, Liu R R. Isolation of cold induced genes by modified cDNA-AFLP with single enzyme digestion from *Volvariella* volvacea. Mycosystema, 2004, 23 (2): 241 ~ 247 (in Chinese)
- 7 Steaven Harris A laboratory guide USA: Fungal DNA Mini-preparation, 2002 1 ~ 2
- 8 谢宝贵,郭丽琼,王家升,陈 辉. 19个草菇菌株的品比试验. 食用菌,1996,(5):6~7

  Xie B G, Guo L Q, Wang J S, Chen H. Variety compare of nineteen strains of straw mushroom. Edible Fungi, 1996,(5):6~7 (in Chinese)
- 9 郑国扬,廖汉泉. 中国草菇生产. 北京: 中国农业出版社, 2000. 182页 Zheng G Y, Liao H Q. Cultivation of straw mushroom in China Bejing: China Agricultural Press, 2000. 182p (in Chinese)
- van de Rhee M D, Graca P M A, Huizing H J, Mooibroek H. Transformation of the cultivated mushroom, *Agaricus bisponus* to hygromycin B resistance Molecular and General Genetics, 1996, 250: 252 ~258
- van de Rhee M D, Mendes O, Werten M W T, Huizing H J, Mooibroek H. Highly efficient homologous integration via tandem exo--1, 3-glucanase genes in the common mushroom, *Agaricus bisponus* Current Genetics, 1996, 30: 166 ~ 173
- 12 Yanai K, Yonekura K, Usami H, Hirayama M, Kajiware S, Yamazaki M, Shishido K, Adachi T. The integrative transformation of *Pleurotus* ostreatus using bialaphos resistance as a dominant selectable marker. Bioscience Biotechnology and Biochemistry, 1996, 60 (3): 472 ~475
- 13 华志华,朱雪峰,林鸿生,高振宇,钱 前,颜美仙,黄大年. 基因枪转化获得的转基因水稻中外源基因整合与表达规律研究. 遗传学报,2001,28 (11): 1012~1018
  - Hua Z H, Zhu X F, Lin H S, Gao Z Y, Qian Q, Yan M X, Huang D N. Studies of the integration and expression of exogenes in transgenic rice obtained via particle bombardment transformation. Acta Genetica Sinica, 2001, 28 (11): 1012 ~1018 (in Chinese)

# 欢迎购阅下列新书

- 1-1 《英汉生物学词汇》(第二版) 99元
- 1-7 《PCR技术实验指南》(译) 110元
- 1-8 《植物生理与分子生物学》94元
- 1-9 《汉英生物学词汇》 106元
- 1-11 (蛋白质结构分析》(译) 46元
- 1-13《蛋白质电泳实验技术》29元
- 1 14《分子遗传学》70元
- 1-17《植物分子遗传学》(第二版)88元
- 1 22 (英汉化学化工词汇》 第四版 ) 110元
- 1 24《精编分子生物学实验指南》 (译) 123元
- 1-25《植物分子生物学实验指南》(译)52元
- 1 26《蛋白质纯化与鉴定实验指南》(译) 52元
- 1 27《实用分子生物学方法手册》 32元
- 1-31《被子植物有性生殖图谱》96元
- 1 32 《基因工程原理》 (第二版 ) 上册 58元
- 1 33《基因工程原理》(第二版)下册 78元
- 1 38《植物生殖遗传学》 30元
- 1 39《蛋白质技术手册》 33元
- 1 41《英汉生物化学及分子生物学词典》 88元
- 1 43 《分子细胞生物学 》 78元
- 1 44《 00 代遗传学原理 》 77 元
- 1 48《细胞信号转导》(第三版) 55元
- 1-50 (細胞实验指南) (译)(上、下)244元
- 1 52《分子克隆实验指南》 (第三版) 187元
- 1-53《生物信息学:序列与基因组分析》82元
- 1-54《生物化学技术原理及应用》(第三版) 45元
- 1 56《分子生物学》89元

- 1-57《微注射和转基因实验指南》66元
- 1-58《真核生物转录调控——概念、策略和方法》86元
- 1 59《DNA与 RNA基本操作技术》 52元
- 1-60《蛋白质组学:从序列到功能》50元
- 1-62《植物基因工程》(第 2版) 97元
- 1 63《基因组》55元
- 1-64《植物数量性状遗传体系》57元
- 1-65《体外培养的原理与技术》165元
- 1 66《PCR技术实验指南》 (第二版) (影印版) 110元
- 1 67《RNA 实验技术手册》 75元
- 1-68《蛋白质化学与蛋白质组学》85元
- 1-69《蛋白质与蛋白质组学实验指南》(影印版)110元
- 1-70《蛋白质组学:理论与方法》53元
- 1-71《分子酶学工程导论》56元
- 1-72《分子生物学实验室工作汉英图解 指南》53元
- 1-73《高级分子生物学要义》179元
- 1 74《高级植物分子生物学》85元
- 1 75《基础生物化学》144元
- 1 76《基因及其表达》(第二版) 58元
- 1-77《进化生物技术-酶定向分子进化》
- 1-78《景观生态学原理及应用》53元
- 1 79《抗体技术实验指南》 46元

- 1-80《耐盐植物研究》108元
- 1-81《染色体带:基因组的图型》32元
  - 1 82《生物安全》 68元
  - 1 83《生物芯片分析》100元
  - 1-84《生物信息学:方法与实践》47元
  - 1-85《生物信息学中的计算机技术》(影 印版) 56元
  - 1-86《实用生物化学与分子生物学词典》86元
  - 1 87《数量遗传学》38元
  - 1 88《统计遗传学》67元
  - 1-89《探索基因组学、蛋白质组学和生物信息学》(附光盘)67元
- 1-90《 现代细胞分子生物学技术 》 166元
- 1-91《现代英汉生物工程词典》75元
- 1 92《植物成分功能》111元
- 1 93《植物分子育种》69元
- 1 94《植物生物化学与分子生物学》(全 彩色) 289元
- 1-95《中国农作物及其野生近缘植物染色体图谱》203元
- 1-96《中国园林花卉植物染色体图谱》
- 1 97《种子生理研究》 124元
- 1 98《种子植物系统学》 111元
- 1 99《种子植物形态解剖学导论》(第二版) 57元

以上价格已含邮资。购书者请通过邮局汇款至北京中关村南大街 12号 《园艺学报》编辑部,邮编:100081。